Supporting information:

Virus variants with differences in the P1 protein coexist in a Plum pox virus population and display particular host-dependent pathogenicity features Varvara I Maliogka, Beatriz Salvador, Alberto Carbonell, Pilar Sáenz, Diego San León, Juan-Carlos Oliveros, María-Otilia Delgadillo, Juan-Antonio García, Carmen Simón-Mateo Molecular Plant Pathology 13 (8), 877-886. doi: 10.1111/j.1364-3703.2012.00796.x (http://dx.doi.org/10.1111/j.1364-3703.2012.00796.x)

Figure S1. Multiple amino acid alignment of the P1 proteins of 97 isolates belonging to seven Plum pox virus strains recovered from public databases. The amino acid conservation at positions W29 and V139E is highlighted.

Figure S2. Alignment of small RNAs to the reference PS-MCL genome. The green bars represent the unique small RNAs (length between 20 and 25 bases) aligned to the two strands of the PS-MCL genome. Only perfect matching was allowed.

ne	10 20	30 40 50 60 70
cPSeg	MSTIVFGSFTCHLDAAIHQDNADRLAKA	WTRPENRQVSNVHLLCRRAAKSLINTYESATASAWKGLEEKLQ
M92280_M		
FM955843_M	N	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •
AJ243957 M		•
GU550509 M		
GU550511 M	т.	
DQ431465 EA		c.
A - AM157175 EA		
GU550515_EA		
Y09851_C	v	.AIT
AY184478_C	v	.AIT
- GU565151_C	V	.AS.IT
HQ840517	······································	.AI
L HQ040510	·····V···	.A
GU461889 Rec		
EU117116 Rec		V.E.
GU550514 Rec		ЕЕ
GU474956 Rec		
AY677114_Tk		
EU734797_Tk		
EU734802_Tk	••••••	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •
EU734799_Tk	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •
L EU/34/94_Tk		
A1912055 W		
H0670748 W	••••••	π
EF611244 D		
DQ465242 D		
X81083 D		S H
DQ465243 D		
EF611246_D		
EF611247_D		- <mark> </mark>
EF611248_D	••••••	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
X16415_D	••••••	•
EF611242_D		
AF401296_D	••••••	•
EF640933_D		
EF640934_D		
EF640936 D		
EF640937 D		т
EF640938 D		
EF640939 D		
AF401295 D		
AY912056_D		
AY912057_D	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	
AY912058_D	••••••	•
AY953261_D	••••••	•
AY953262_D		•
A1953263_D		
AV953265 D		
AY953266 D		
AY953267 D		
D13751 D		
EF611241_D		
EF611243_D		
GU550510_D	••••••	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
GU550513_D	•••••	•
GU550512 D	••••••	•
GU461890 D	••••••	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
AB5/6066 D	•••••	
AB576063 D		
AB576065 D		
AB576052 D		
AB576062 D		
AB576056 D		
AB576046_D		- <mark> </mark>
AB576055_D	••••••	
AB576048_D	••••••	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
AB576047_D	••••••	•
AB576060_D	••••••	•
AB5/6054_D	•••••	
AB545920 D		
AB576053 D		
AB576061 D		
AB576045 D		
EF611245 D		
AB576057 D		
AB576071 D		
AB576072 D		
AB576077 D		
AB576068 D		
AB576079 D		
AB576051_D		
AB576050_D		.
AB576059_D		· <mark>· · · · · · · · · · · · · · · · · · </mark>
AB576058_D	•••••	•
AB576074_D	••••••	•
AB576069_D	••••••	•
AB5/60/3 D	•••••	······································
AB5/600/_D	••••••	
AB576040 D		ст
- mb3/0045_D		

	110	120 130	140	150	160 170
aPSea	EKKLKKOCREERERFOF	INGPDATVNOTSVDKCEASVW	VPPP	HVIEKPSETT	PSMKKKVVFTKVRMSEASI
M92280 M	VK	Indeparting 15 v Dicolaris v I		T	E SHIGHT IT THE HIS
FM955843 M	УК			т	D
A.T2/3957 M					
AV917135 M	VK.			т	
CU550509 M	VK			TNK	
CUEEDE11 M	VK			T N W	
DO431465 FA	P O VK	V PP MOCDDADN P	1	T T	m p
DQ431465 EA	.KQ.IK	V.ER. TQCDDAPN.R			
AMIS/1/5 EA	.RQ.IK	TVIER.TQCDDAPN	1.1.1	. 1L T	
G0550515_EA	.RQ. 1K	TVIER.TQCDDVPN	1.11	.1LT	R
109851 C	.RQ. YK	LENV.TH.EPVTEPT.	1	D. PKR. LSK.	RHII.DTT.
A1184478 C	.RQ. YK	LENV.TH.EPVTEPT.	1	D. PKR. LSK.	RHII.DTT.
G0565151_C	.RQ. YK W.	LENV.TH.EPVTEPT.	1	D. PKR. LSK.	RHII.DTT.
HQ840517	.RQ. YK W	LENV.XH.EPVTEG.PT.		D. PKR. LSK.	RHII.DTT.
HQ840518	.KQ. YK	LENV.TH.EPVTEG.PT.	-	JIPKR.LSK.	RHII.DTT.
A1028309 Rec	R 1Q			. 1	
GU461889_Rec	RR.¥Q			. I A.	
EU117116_Rec	RYQ			. IA.	
G0550514_Rec	R¥Q	P		.1SA.	
GU474956_Rec	RYQ			.I.KR.A.	· · · V · · · · · · · · · · · · · · · ·
AY67/114_Tk	R¥Q	G.S		.IA.	
EU734797_Tk	RYQH	G.S		.IA.	
EU734802_Tk	RYQ			.IA.	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •
EU734799_Tk	RYQ	G.S		.IA.	
EU734794_Tk	RYQ			.IA.	
AY912055_W	QLYN	FSVITR.GS.NEATP	· · · · 9	QIQ RLC S.	HKT.
HQ670746_W		<pre>FSVITR.AS.NEATPA.</pre>	· · · · 9	QIQKLCS.	HKT.
HQ670748_W	QLYN.KL	FERVITR.ES.NETTP	· · · · 9	QIQK.SLCS.	HKT.
EF611244_D	RYQ	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	· · · ·	.IA.	••••••
DQ465242_D	RYQ		· · · ·	.IA.	
X81083_D	RYQ		s.	.I.KA.	••••••
DQ465243_D	RYQ		· · · ·	.IA.	
EF611246_D	RYQ		· · · ·	.IA.	
EF611247_D	RYQ			.IA.	
EF611248_D	RYQ		· · · ·	.IA.	
X16415_D	RYQ	v	· · · ·	.IA.	
EF611242 D	RYQ			.IA.	
AF401296 D	RYQ			. I	L
EF640933 D	RYQ			.IA.	
EF640934 D	RYQ			.IA.	
EF640935 D	RYQ			.IA.	
EF640936 D	RYQ			. I	
EF640937 D	RYQ			. I	
EF640938 D	R. YO			. I	
EF640939 D	R. YO			. I	
AF401295 D				ТА.	
AY912056 D				ТА.	
AY912057 D				Т. А	
AY912058 D	B VO			т. А	
AY953261 D	VO		1	т А	
AY953262 D				ТА.	
AV953263 D	B VO		1	та	
AV953264 D	R VO			тъ	
AV953265 D	P VO			та	
AV953266 D	P V0			т л	
AV953267 D	P V0			т л	
D13751 D	P V0 T			T V	v
FF6112/1 D	P VO			та	
EF611241 D	P P VO		1	т л	
CUEEDE10 D	P V0	D	1	т	
CUEEDE12 D	P V0		1	Tm N	
GU550513_D	R10			T N	
GU350312 D	R. 10		1	T N	
ABE76066 D			1	т х	
AB576066 D	R			T N	
AB576064 D	RI		1.1.1	. 1 A.	
AB576065_D	R		1.1.1	. 1 A.	
ADD / 0005_D	R	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	1	. 	
AB576052_D	R10		1	. 1	
AB576056 D	P V0		1	T N	
AB576046 D	P VC		1	. <u>.</u> А.	
ABS76046 D	R. 10			. I	
AB576055_D	R10		1	. 1	
AB576046 D	R10		1.1.1	. 1 A.	
AB576047_D	R10		1.1.1	. 1 A.	
AB576060 D	R1Q			. 1 V .	
AB576054_D	R. 1Q			. 1 A.	
AB545926_D	R. 10			· 1 · • • • • • • • • •	
AB576070 D	R1Q		1	. 1 A.	
AB576053_D	Rig	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •		. 1 A.	
AB576061_D	R Y		1.1.1	. 1	
AB5/6045_D	R1Q	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	1	. .	
EF611245 D	R1Q	•••••••••••••••••••••••••••••••••••••••	· · · ·	. 1 A.	••••••
AB5/6057 D	RY	D	· · · ·	. 1 . D A .	••••••
AB576071_D	RYQ	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	· · · ·	. 1	••••••
AB576072_D	RYQ		· · · ·	.IA.	
AB576077_D	RYQ		· · · ·	.IA.	
AB576068_D	RYQ		· · · ·	.IA.	••••••
AB576079_D	RYQ			.IA.	
AB576051_D	RYQ	P	· · · ·	. IV.	
AB576050_D	RYQ	P	· · · ·	.IA.	
AB576059_D	RY	RT		.IA.	
AB576058_D	RY	RT	· · · ·	.IA.	
AB576074_D	RYQ		· · · ·	.IN.A.	
AB576069_D	RYQ		· · · ·	.IN.A.	
AB576073_D	RYQ		· · · ·	.IN.A.	
AB576067_D	RY	RT	· · · ·	.IA.	
AB576076_D	RYQ	P	· · · ·	.IA.	
AB576049 D	RYQ	P		. I	

